

Restriction Enzymes Price List 2004

Enzyme	Prototype	Recognition site	Cat.#	Amount, u	Prices, £
AatII	AatII	GACGT [^] C	E287	500	32
			E288	2500	129
Acc16I	MstI	TGC [^] GCA	E001	200	13
			E002	1000	53
Acc36I	BspMI	ACCTGC(4/8)	E289	100	32
			E290	500	127
Acc65I	(KpnI)	G [^] GTACC	E003	1000	30
			E004	5000	120
AccB1I	HgiCI	G [^] GYRCC	E163	500	5
			E164	2500	21
AccB7I	PfiMI	CCANNNN [^] NTGG	E179	200	8
			E180	1000	32
AccBSI	BsrBI	GAG [^] CGG	E007	1000	35
			E008	5000	141
AclI	AclI	AA [^] CGTT	E011	200	24
			E012	1000	96
AclWI	BinI	GGATC(4/5)	E211	100	34
			E212	500	134
AcsI	ApoI	R [^] AATTY	E013	500	27
			E014	2500	110
AfeI	Eco47III	AGC [^] GCT	E213	200	68
			E214	1000	273
AhlI	SpeI	A [^] CTAGT	E173	1000	58
			E174	5000	233
AjlI	EcoRII	[^] CCWGG	E473	200	63
			E474	1000	252
AluI	AluI	AG [^] CT	E015	400	36
			E016	2000	142
Ama87I	AvaI	C [^] YCGRG	E017	1000	18
			E018	5000	70
ApaI	ApaI	GGGCC [^] C	E019	1000	6
			E020	5000	25
AsiAI	AgeI	A [^] CCGGT	E235	100	22
			E236	500	86
AspA2I	Avr II	C [^] CTAGG	E245	500	111
			E246	2500	445

AspS9I	Sau96I	G^GNCC	E117	1000	30
			E118	5000	119
AsuC2I	CauII	CC^SGG	E257	2000	21
			E258	10000	84
AsuHPI	HphI	GGTGA(8/7)	E231	200	23
			E232	1000	90
AsuNHI	NheI	G^CTAGC	E063	500	20
			E064	2500	81
BamHI	BamHI	G^GATCC	E021	4000	12
			E022	20000	47
Bbv12I	HgiAI	GWGCW^C	E023	200	11
			E024	1000	42
BglI	BglI	GCCNNNN^NGGC	E025	1000	17
			E026	5000	68
BglII	BglII	A^GATCT	E027	1000	17
			E028	5000	69
Bme18I	AvaII	G^GWCC	E029	1000	17
			E030	5000	68
BmtI	NheI^	GCTAG^C	E457	1000	168
			E458	5000	672
BpmI	GsuI	CTGGAG(16/14)	E467	50	53
			E468	250	210
Bpu10I	Bpu10I	CC^TNAGC	E149	200	42
			E150	1000	166
Bpu14I	ApuI	TT^CGAA	E033	1000	13
			E034	5000	53
Bsa29I	ClaI	AT^CGAT	E205	500	16
			E206	2500	64
Bsc4I	BsiYI	CCNNNNN^NNGG	E219	500	26
			E220	2500	105
Bse118I	Cfr10I	R^CCGGY	E039	200	26
			E040	1000	105
Bse1I	BsrI	ACTGG(1/-1)	E035	500	28
			E036	2500	112
Bse21I	SauI	CC^TNAGG	E037	500	17
			E038	2500	67
Bse3DI	BsrDI	GCAATC(2/0)	E253	200	55
			E254	1000	219
Bse8I	BsaBI	GATNN^NNATC	E147	1000	19
			E148	5000	74
BsePI	BsePI	G^CGCGC	E181	200	30
			E182	1000	120

BseX3I	XmaIII	C^GGCCG	E263	200	16
			E264	1000	63
BslFI	Fnl	GGGAC(10/14)	E479	100	32
			E480	500	126
Bso31I	Eco31I	GGTCTC(1/5)	E285	100	13
			E286	500	53
BsoMAI	BsmAI	GTCTC(1/5)	E291	1000	32
			E292	5000	127
Bsp13I	BspMII	T^CCGGA	E183	500	16
			E184	2500	64
Bsp1720I	EspI	GC^TNAGC	E185	100	8
			E186	500	32
Bsp19I	NcoI	C^CATGG	E047	500	18
			E048	2500	71
BssECI	SceI	C^CNNGG	E273	200	24
			E274	1000	95
BssNAI	SnaI	GTA^TAC	E261	1000	42
			E262	5000	168
BssT1I	StyI	C^CWWGG	E207	1000	6
			E208	5000	23
Bst2BI	BsiI	CTCGTG(-5/-1)	E043	200	26
			E044	1000	105
Bst2UI	BstNI	CC^WGG	E051	1000	12
			E052	5000	49
Bst4CI	Tsp4CI	ACN^GT	E265	200	13
			E266	1000	53
Bst6I	Ksp632I	CTCTTC(1/4)	E239	200	21
			E240	1000	84
BstACI	AcyI	GR^CGYC	E093	500	10
			E094	2500	40
BstAPI	(ApaBI)	GCANNNN^NTGC	E259	200	53
			E260	1000	211
BstAUI	Bsp1407I	T^GTACA	E267	500	19
			E268	2500	74
BstBAI	BsaAI	YAC^GTR	E237	500	34
			E238	2500	137
BstC8I	Cac8I	GCN^NGC	E305	200	60
			E306	1000	238
BstDEI	DdeI	C^TNAG	E227	500	32
			E228	2500	127
BstDSI	DsaI	C^CRYGG	E083	1000	42
			E084	5000	168

BstENI	EcoNI	CCTNN^NNNAGG	E103	200	13
			E104	1000	50
BstF5I	(Fok)	GGATG(2/0)	E031	500	18
			E032	2500	74
BstFNI	FnuDII	CG^CG	E283	300	14
			E284	1500	57
BstH2I	HaeII	RGCGC^Y	E171	500	8
			E172	2500	33
BstHHI	HhaI	GCG^C	E143	2000	24
			E144	10000	94
BstKTI	MboI^	GAT^C	E151	200	53
			E152	1000	210
BstMCI	McrI	CGRY^CG	E071	500	13
			E072	2500	53
BstMWI	MwoI	GCNNNNN^NNGC	E459	500	77
			E460	2500	308
BstNSI	NspI	RCATG^Y	E251	200	29
			E252	1000	116
BstPAI	PshAI	GACNN^NNGTC	E299	1000	37
			E300	5000	148
BstSCI	ScrFI	^CCNGG	E307	100	21
			E308	500	84
BstSFI	SfeI (Sfc I)	C^TRYAG	E197	200	82
			E198	1000	329
BstSNI	SnaBI	TAC^GTA	E065	200	13
			E066	1000	51
BstV1I	BbvI	GCAGC(8/12)	E303	100	31
			E304	500	125
BstV2I	BbvII	GAAGAC(2/6)	E297	200	21
			E298	1000	84
BstX2I	XhoII	R^GATCY	E229	500	26
			E230	2500	105
BstXI	BstXI	CAANNNNN^NNTGG	E455	200	8
			E456	1000	32
BtrI	BtrI	CACGTC(-3/-3)	E277	100	11
			E278	500	42
CciNI	NotI	GC^GGCCGC	E203	200	16
			E204	1000	62
DraI	AhaIII	TTT^AAA	E055	1000	13
			E056	5000	52
DraIII	DraIII	CACNNN^GTG	E309	500	18
			E310	2500	72

DriI	Eam1105I	GACNNN^NNGTC	E193	200	11
			E194	1000	42
DseDI	DrdI	GACNNNN^NNGTC	E241	500	66
			E242	2500	265
EcoICRI	Sacl	GAG^CTC	E469	200	11
			E470	1000	42
EcoRI	EcoRI	G^AATTC	E057	5000	11
			E058	25000	45
EcoRV	EcoRV	GAT^ATC	E059	1000	8
			E060	5000	33
EgeI	(NarI)	GGC^GCC	E243	200	26
			E244	1000	105
ErhI	StyI	C^CWWGG	E061	1000	10
			E062	5000	40
Fall	Fall	(8/13)AAG(N)5CTT(13/8)	E153	100	42
			E154	500	168
FatI	NlaIII	^CATG	E155	50	36
			E156	250	144
FauI	FauI	CCCGC(N4/6)	E209	100	55
			E210	500	218
FauNDI	NdeI	CA^TATG	E009	500	8
			E010	2500	33
FbII	Accl	GT^MKAC	E271	100	8
			E272	500	32
FokI	FokI	GGATG(9/13)	E247	100	4
			E248	500	16
FriOI	BanII	GRGCY^C	E157	1000	23
			E158	5000	90
Fsp4HI	Fnu4HI	GC^NGC	E095	100	18
			E096	500	73
HaeIII	HaeIII	GG^CC	E067	1000	8
			E068	5000	31
HgaI	HgaI	GACGC(6/10)	E461	50	20
			E462	250	79
HindII	HindII	GTY^RAC	E201	1000	35
			E202	5000	140
HindIII	HindIII	A^AGCTT	E073	5000	12
			E074	25000	47
Hinfl	Hinfl	G^ANTC	E075	1000	6
			E076	5000	24
HpaI	HpaI	GTT^AAC	E077	500	25
			E078	2500	99

HpaII	HpaII	C [^] CGG	E161	500	7
			E162	2500	27
HspAI	(HhaI)	G [^] CGC	E069	1000	13
			E070	5000	53
KpnI	KpnI	GGTAC [^] C	E079	2000	17
			E080	10000	68
Ksp22I	BclI	T [^] GATCA	E081	1000	9
			E082	5000	38
Kzo9I	MboI	[^] GATC	E187	200	22
			E188	1000	86
MabI	SexAI	A [^] CCWGGT	E121	200	34
			E122	1000	134
MboII	MboII	GAAGA(8/7)	E471	100	13
			E472	500	53
MhlI	SduI	GDGCH [^] C	E049	500	34
			E050	2500	134
Mlul	Mlul	A [^] CGCGT	E085	1000	26
			E086	5000	104
Mly113I	NarI	GG [^] CGCC	E189	200	32
			E190	1000	126
MnII	MnII	CCTC(7/6)	E481	250	26
			E482	1250	104
MroNI	(NaeI)	G [^] CCGGC	E087	500	26
			E088	2500	105
MroXI	XmnI	GAANN [^] NNTTC	E249	200	6
			E250	1000	23
Msp20I	BalI	TGG [^] CCA	E301	100	21
			E302	500	84
MspA1I	NspBII	CMG [^] CKG	E191	500	21
			E192	2500	84
MspI	HpaII	C [^] CGG	E091	1000	6
			E092	5000	25
MspR9I	ScrFI	CC [^] NGG	E175	500	19
			E176	2500	74
NruI	NruI	TCG [^] CGA	E099	500	16
			E100	2500	64
PceI	StuI	AGG [^] CCT	E105	1000	24
			E106	5000	96
PciI	BspLU11I	A [^] CATGT	E275	200	47
			E276	1000	189
PctI	BsmI	GAATGC(1/-1)	E045	500	41
			E046	2500	162

Ple19I	PvuI	CGAT^CG	E195	100	20
			E196	500	80
PpsI	PleI	GAGTC(4/5)	E269	25	33
			E270	125	130
PsiI	PsiI	TTA^TAA	E279	100	71
			E280	500	282
Psp124BI	SacI	GAGCT^C	E107	1000	13
			E108	5000	53
PspCI	PmaCI	CAC^GTG	E475	2000	16
			E476	10000	63
PspEI	BstEII	G^GTNACC	E169	2000	33
			E170	10000	133
PspLI	SplI	C^GTACG	E223	300	39
			E224	1500	158
PspN4I	NlaIV	GGN^NCC	E089	1000	106
			E090	5000	424
PspOMI	(ApaI)	G^GGCCC	E215	1500	34
			E216	7500	135
PspPPI	PpuMI	RG^GWCCY	E255	100	20
			E256	500	78
PspXI	PspXI	VC^TCGAGB	E477	200	66
			E478	1000	263
PsrI	PsrI	(7/12)GAAC(N)6TAC(12/7)	E131	100	42
			E132	500	168
PstI	PstI	CTGCA^G	E109	4000	13
			E110	20000	52
PvuII	PvuII	CAG^CTG	E111	2000	13
			E112	10000	52
RsaI	RsaI	GT^AC	E113	1000	28
			E114	5000	111
Rsr2I	Rsr II	CG^GWCCG	E281	1000	142
			E282	5000	567
Sall	Sall	G^TCGAC	E115	2000	33
			E116	10000	131
SbfI	Sse8387I	CCTGCA^GG	E101	200	39
			E102	1000	158
SfaNI	SfaNI	GCATC(5/9)	E165	100	204
			E166	500	816
SfiI	SfiI	GGCCNNNN^NGGCC	E123	500	16
			E124	2500	63
Sfr274I	XhoI	C^TCGAG	E125	2000	12
			E126	10000	48

Sfr303I	SacII	CCGC^GG	E127	1000	15
			E128	5000	61
SmaI	SmaI	CCC^GGG	E177	2000	32
			E178	10000	127
SmiI	SwaI	ATTT^AAAT	E225	1000	18
			E226	5000	73
SmiMI	MsiI	CAYNN^NNRTG	E293	200	33
			E294	1000	133
SphI	SphI	GCATG^C	E129	200	27
			E130	1000	109
Sse9I	Tsp509I	^AATT	E217	100	4
			E218	500	15
SspI	SspI	AAT^ATT	E041	500	18
			E042	2500	73
TaqI	TaqI	T^CGA	E133	200	1
			E134	1000	5
Tru9I	MseI	T^TAA	E199	200	13
			E200	1000	52
Tth111I	Tth111I	GACN^NNGTC	E097	400	24
			E098	2000	98
Vha464I	AflIII	C^TTAAG	E135	500	9
			E136	2500	35
VneI	ApaLI	G^TGAC	E137	1000	14
			E138	5000	58
VspI	VspI	AT^TAAT	E139	1000	16
			E140	5000	63
XbaI	XbaI	T^CTAGA	E141	1000	10
			E142	5000	40
XmaI	XmaI	C^CCGGG	E233	100	13
			E234	500	54
ZraI	(AatII)	GAC^GTC	E463	200	54
			E464	1000	218
Zrml	ScaI	AGT^ACT	E005	600	18
			E006	3000	73
Zsp2I	NsiI	ATGCA^T	E145	1000	32
			E146	5000	129
Nickase N.Bst9 I		GAGTC(4/-)	E401	100	63
			E402	500	252